

Fig. 1

MAKCWQLLLFLAALLPAASAASCHPDDLYALRDFAGNLRGGGVLLRAALPGASCCGWEGV 60
GCDGASGCVKSFQILLKGLTAAGRSLGKAFTHMPLHVKPSQGTLDEDHNTITGINNTVRS 120
GNNVVSGDNDNTVISGNNNVVSGSHNTVVFGGDNFISGSYHVVS~~GNHHVVT~~DNKNAVSGD 180
HNTVSGSQNTVSGNHQIVSGSHSTVSGNHNTVSGRNNSVYGN~~NNIVSGSNHVVYGN~~NKV 240
TGG 243

Fig. 2

MAKCWQLLLFLAFLPAASAASRHPDDLRALQDFAGNLRGGGVLLRAALSGGSCDWEGA 60
GCDGASGRVTSFQILLKGLTTAGRSLGKAFTHMPLHVKPSQGTLDEEHNTITGINNTVRS 120
GNNVVSGDNDNTVISGNNNVVSGSHNTVVFGGDNFLSGSNHVVSGNH~~HVVT~~DNKNAVSGD 180
HNTVSGSQNTVSGNHIIISASHSTISGNHNTVSGSNNFVSGNNIVSGSNHVVYGN~~NKV~~ 240
TGG 243

Fig. 3

MPEYMAKCCMLLVFLGFILQVAGATSWSCHHDDLHALRGLAENLSGKGAVRLRAAWSGA 60
CCSWGEGVCETASGRVVALRLPKRGLGGIIPSSIGELDHLRYLDLSGNSLVGEVPKSLQI 120
RLKSLTTDSQSLGMGSINMLLVSSRRITLDEEPNTISGTNNSVSGSNNVSGNDNTVVS 180
GNNHVSGSNNNTVVTGSDNTVVGSNHVVSGTKHIVTDNNNVSGNDNNVSGSFHTVSGEH 240
NTVSGSNNTVSGSNHIVSGSNKVVTDG 267

Fig. 4

<u>MPEYMAKCCMLLLLLAFILLQVAGATSWSCHHDDLRLALRGFAENLSGKGAVRLRAAWSGA</u>	60
<u>SCCSWEGVGCETASGRVAAALRLPKRGLGGTIPSSIGELDHLRCLDLSGNSLVGKVPKSLQ</u>	120
<u>IRLXSLSTDGQSLGMSGINTILLHVVSNRRTLDE</u> <u>EPNTISGTNNSVSGSNSNVVSGNDNTV</u>	180
<u>ISGNNNHVSGSNNTVVTGSDNTLVGSNHVVSGTKHIVTDMNNVSGNDNNVSGSFHTVSG</u>	240
<u>EHNTVSGSNNTVSGSNHVVSGSNKVVTG</u> <u>G</u>	269

Fig. 5

<u>MAKCWLLLLFLVFLLLAMSATSCHLDDLRLALRGFVGNLNGGGALLRGTSWSSCCDWEGV</u>	60
<u>GCDGTSGRVTALRLPISLED CGKLKSLNLANERLVGTIPSWIGELDHHCYLVLSDNSLVG</u>	120
<u>KAPNSLHNSLQIRLKGATAGRSLGMAFANMPLHVKGNNRRTLDE</u> <u>QTNTIHGTNNTVRSGN</u>	180
<u>DNAVSGNDNTVICGNNNTVSGSNNTIASGSDNIVTGSNHIVCGTKHIIITDNNNDVSGNDN</u>	240
<u>NVSGSFHTVSGSHNTVSGSNNTVSGSNHVVSGSNKLVGTG</u> <u>DE</u>	281

Fig. 6

<u>MAKCWLLLLFLVVLPAASATSCHPDDLRLALRGFVGNLNGGGVLLHGAWSGSLCCAWEGV</u>	60
<u>GCDGTSGRVTALRLPISLKD CGKLKSLNLANERLVGTIPSWIGELDHLCYLVLSDNSLVG</u>	120
<u>KVPNSLQIRLKGATAGRSLGMAFANMPLHVKGNNRRTLDE</u> <u>QTNTIQGTNNTVRSGNDNAV</u>	180
<u>SGNDNTVICGNNNTVSGSNNTIVSGSDNIVTGSNQVVCCTKHIIITDNNNDVSGNDNNVSG</u>	240
<u>SSHTVSGSHNTVSGSNNTVSGSNHVVSGSNKVVTG</u> <u>DE</u>	277

Fig. 7

<u>MAKCWLLLLFLVFLLLAVCATSCHPDDLRLALRGFVGNLGGGVLLRETWSGSSCCAWEGV</u>	60
<u>GCDGTSGRVTALRLPISLEDCGKLSLNLANERLVGTIPSWIGELDHHCYFVLSDNSLVG</u>	120
<u>KVPNSLQIRLKGLATAGRSLGMAFANMPLHVKGNNRRTLD</u> <u>QTNTIHGTNNTVRSGNDNAV</u>	180
<u>SGNDNTVMCGNNNTVSGSNNTISSGSDNIVTGSNHIVCGTKHIITDNNNDVSGNDNNVSG</u>	240
<u>SFHTVSGSHNTVSGSNNTVSGSNHVVSGSNKVVTG</u> <u>DE</u>	277

Fig. 8

<u>MGLLLLFLAFLLPVACAATSSCHPDDLRLALRGFAKNLGGGVLLRTAWSGTSCCVWEGVG</u>	60
<u>CNGASGRVTTLWLPRRGLAGTITGASLAGLARLESNLNANNRLVGTIPSWIGELDHLLYL</u>	120
<u>DLSHNSLVGELPNLKGLTTTGHLLGMAFTSMPLDVKNRRTLAV</u> <u>Q</u> <u>PNTISGTNNSVLSGR</u>	180
<u>NNTVSGNDNTVISGNNNTVSGSFNTVVTGSDNVLTGSNHVVSGRNHIVTDNNNAVSGDDN</u>	240
<u>NVSGSFHKVSGSHNTVSGSNNTVSGRNHVVSGSNKVVTG</u> <u>G</u>	280

Fig. 9

<u>MGLLLLFLGFLLPAAACAATSSCHPDDLRLALRGFAKNVGGGVLLRTAWSGTSCCVWEGVG</u>	60
<u>CNGASGRITTLWLPRRGLAGTITGASLAGLARLESNLNANNRLVGTIPSWIGELDHLLYL</u>	120
<u>DLSHNSLVGELPNRLQIRLKGLTTTGHLLGMAFTNMPLDVKNRRTLAI</u> <u>Q</u> <u>PNTISGTNNL</u>	180
<u>VLSGRNNVSGNDNTVISENNNTVSGSFNTVITGSDNVLTGSNHVVSGRSHIVTDNNNSV</u>	240
<u>SGDDNNVSGSFHKVSGSHNTVSGSNNTVSGRNHVVSGSNKIVTG</u> <u>G</u>	285

Fig. 10

MAKCLMLLLSFAFLLSVAGTATATPCHRDDLRALRGFAENLGGGGAISLRAAWSGASCCD 60
WEGVGCDCGASGRVTALWLPKPSGLTGPIPSWICQLHHLRYLDLSGNALVGEVPKNLQVQLK 120
GITNMPLHVMNRNRRSLDEQPNTISGSNNTVRSGSKNVLAGNDNTVISGDNNVSGSNNTV 180
VSGNDNTVTGSNHVSGTNHIVTDNNNNVSGNDNNVSGSFHTVSGGHNTVSGSNNTVSGS 240
NHVVSNGSKNVVTDA 254

Fig. 11

MAKCLMLLLSFAFLLSAAGTATATPCHRDDLRALRGFAENLGGGGALSRAAWSGASCCD 60
WEGVGCDCGASGRVTALWLPKPSGLTGPIPSWICQLHHLRYLDLSGNALVGEVPKNLQVQLK 120
GLTAAGRSGFTNMPLHVMNRNRRSLDEQPNTISGSNNTVRSGSKNVVAGNDNTVISGDNNV 180
VSGSNNTVVSGSDNTVTGSNHVVSNTNHIVTDNNNNVSGNDNNVSGSFHTVSGGHNTVSG 240
SNNTVSGSNHVVSNGSKNVVTDA 262

Fig. 12

MAKCLMLLLSFAFLLSAAGTATATATPCHRDDLRALRGFAENLGGGGALSRAAWSGASC 60
CDWEGVGCDCGASGRVTALWLPKPSGLTGPIPSWIFQLHHLRYLDLSGNALVGEVPKNLQVQ 120
LKGITNMPLHVMNRNRRSLDEQPNTISGSNNTVRSGSKNVLAGNDNTVISGDNNVSGSNN 180
TVVSGNDNTVTGSNHVVSNTNHIVTDNNNNVSGNDNNVSGSFHTVSGGHNTVSGSNNTVS 240
GSNHVVSNGSKNVVTDA 256

Fig. 13

<u>MAKCWLLLLPLVFLLLAMSATSCHLDDLRLALRGFVGNLNGGGALLRGTSWSSCCDWEGV</u>	60
<u>GCDGTSGRVTALRLPISLEDCGKLKSLNLANRRLVGTIPSWIGELDHHCYLVLSDNSLVG</u>	120
<u>KAPNSLHNSLQIRLKGLATAGRSLGMAFANMPLHVKGNNRRTLDEQTNTIHGTNNTVRSQN</u>	180
<u>DNAVSGNDNTVICGNNNTVSGSNNTIASGSDNIVTGSNHIVCGTKHIITDNNNDVSGNDN</u>	240
<u>NVSGSFHTVSGSHNTVSGSNNTVSGSNHVVSNGSNKVVTGDE</u>	281